

Begutachtungsauftrag Molekulare Paneldiagnostik

Quartal

Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname des Versicherten		
geb.am		
Kassen-Nr.	Versicherten-Nr.	Status
Betriebsstätten-Nr.	Arzt-Nr.	Datum

<input type="checkbox"/> Kurativ	<input type="checkbox"/> Präventiv	<input type="checkbox"/> Behandl. gemäß §116 b SGB V	<input type="checkbox"/> bei belegärztl. Behandlung	<input type="text" value=""/>	<input type="text" value=""/>
<input type="checkbox"/> Unfall Unfallfolgen	Datum der OP bei Leistungen nach Abschnitt 31.2		<input type="text" value=""/>	<input type="text" value=""/>	<input type="text" value=""/>
Überweisung an <input type="text" value=""/>					
<input type="checkbox"/> Ausführung von Auftragsleistungen	<input type="checkbox"/> Konsiliar-untersuchungen	<input type="checkbox"/> Mit-/Weiterbehandlung	AU bis <input type="text" value=""/>		
<input type="checkbox"/> eingeschränkter Leistungsanspruch gemäß §16 Abs. 3a SGB V					

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose in Kopie beilegen)

MVZ TRIER
Histologie • Zytologie
Molekulare Diagnostik



NGS-basierte Paneldiagnostik

<input type="checkbox"/> BRCA Assay BRCA1-, BRCA2- Mutationsanalyse	
<input type="checkbox"/> AmoyDx HRD Focus Panel BRCA1-, BRCA2-Mutationsanalyse HRD-Status*	
<input type="checkbox"/> Oncomine Focus Assay DNA-Varianten 52 Gene* SNVs, Indels: 35 Gentargets CNVs: 19 Gentargets RNA-Fusionen: 23 Gentargets MET Exon 14 Skipping	
<input type="checkbox"/> Oncomine Comprehensive Assay v3 DNA-Varianten 161 Gene* SNVs, Indels: 87 Gentargets CNVs: 43 Gentargets komplett abgedeckt: 48 Gene RNA-Fusionen: 51 Gentargets	

Vertragsarztstempel / Unterschrift des Arztes

Massenspektrometrie-basierte Paneldiagnostik

<input type="checkbox"/> Kolon Assay KRAS Exon 2, 3, 4 NRAS Exon 2, 3, 4 BRAF Exon 15 PIK3CA Exon 9, 20	<input type="checkbox"/> Myeloproliferative Neoplasien (MPN) Assay JAK2 Exon 14 MPL Exon 10 CALR Exon 9
--	---

***Erläuterungen siehe Rückseite**

Materialannahme	<input type="text" value=""/>
Erfassen	<input type="text" value=""/>
Allgem. Labor	<input type="text" value=""/>
Mol. Auswertung	<input type="text" value=""/>
Pathologe	<input type="text" value=""/>

Präparat-Nr. Einsender

Fall-Nr. MVZ Trier

Befund per Fax <input type="checkbox"/> Faxnummer: _____ Telefon: _____ Ansprechpartner: _____	BITTE UNBEDINGT ANKREUZEN!
AMBULANT <input type="checkbox"/> oder BELEGARZT <input type="checkbox"/> oder IGEL <input type="checkbox"/>	STATIONÄR <input type="checkbox"/> oder Regelleistung <input type="checkbox"/> oder ärztl. Wahlleistung <input type="checkbox"/>

MVZ für Histologie, Zytologie und Molekulare Diagnostik Trier GmbH
 Ärztlicher Leiter/Geschäftsführer: Prof. Dr. med. Dr. phil. Jörg Kriegsmann - PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto
 Geschäftsführer: Prof. Dr. med. Veit Krenn - Prof. Dr. med. Bernd Klosterhalfen
 Max-Planck-Str. 17 · 54296 Trier · Postfach 2806 · 54218 Trier
 Tel.: 0651/1461830 · Fax: 0651/14618323 · Email: labor@molekularpatho-trier.de
 Hotline für Transportdienstleistungen Tel.: 0800 / 1110012

Leistungserfassung
(vom Pathologen auszufüllen)

M T

Eingangs-Datum
(vom Pathologen auszufüllen)

FB – Anlage 36_2.28 BGA Paneldiagnostik Molekularpathologie 22.1207

Erläuterungen

BRCA1/2-Mutationsanalyse

Die Untersuchung fällt nicht unter das Gendiagnostikgesetz (GenDG), da sie die Feststellung einer genetischen Eigenschaft (Merkmalsträgerschaft aufgrund einer Keimbahnmutation) nicht beabsichtigt und nicht ermöglicht.

AmoyDx HRD Focus Panel DNA-basiert

BRCA1-, BRCA2-Mutationsanalyse
Bestimmung des HRD-Status anhand von mehr als 20.000 SNPs durch Ermittlung eines *genomic scar scores* (GSS)

Thermo Fisher OncoPrint Focus Assay DNA/RNA-basiert

Enthält folgende Komponenten:

Hotspot-Mutationen: 35 Gene

AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB (HER)2/3/4 ESR1, FGFR1/2, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1/2, JAK1/2/3, KIT, KRAS, MAP2K1/2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO

Erhöhte DNA-Kopiezahl: 19 Gene

ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4/6, EGFR, ERBB2(HER2), FGFR1/2/3/4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA

Fusionstranskripte: 23 Gene

ABL1, AKT3, ALK, AXL, BRAF, ERG, ETV1/4/5, EGFR, ERBB2, FGFR1/2/3, MET, NTRK1/2/3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1

ThermoFisher OncoPrint Comprehensive Assay v3 DNA/RNA basiert

Hotspot-Mutationen: 87 Gene

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AXL, BRAF, BTK, CBL, CCND1, CDK4, CDK6, CHEK2, CSF1R, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ERCC2, ESR1, EZH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FOXL2, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3F3A, HIST1H3B, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KNSTRN, KRAS, MAGOH, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAPK1, MAX, MDM4, MED12, MET, MTOR, MYC, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1; NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPP2R1A, PTPN11, RAC1, RAF1, RET, RHEB, RHOA, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO, SPOP, SRC, STAT3, TERT, TOP1, U2AF1, XPO1

Erhöhte DNA-Kopiezahl: 43 Gene

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, AXL, BRAF, CCND1, CCND2, CCND3, CCNE1, CDK2, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ESR1, FGF19, FGF3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, IGF1R, KIT, KRAS, MDM2, MDM4, MET, MYC, MYCL, MYCN, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPARG, RICTOR, TERT

Fusionstranskripte : 51 Gene

AKT2, ALK, AR, AXL, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGR, FLT3, JAK2, KRAS, MDM4, MET, MYB, MYBL1, NF1, NOTCH1, NOTCH4, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PPARG, PRKACA, PRKACB, PTEN, RAD51B, RAF1, RB1, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, TERT

Komplett abgedeckte Gene: 48

ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BRCA1, BRCA2, CDK12, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CREBBP, FANCA, FANCD2, FANCI, FBXW7, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, PALB2, PIK3R1, PMS2, POLE, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51C, RAD51D, RAD51B, RB1, RNF43, SETD2, SLX4, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1, TSC2