

# Begutachtungsauftrag hämatologische Diagnostik Molekularpathologie

Krankenkasse bzw. Kostenträger		
Name, Vorname des Versicherten		
geb.am		
Kassen-Nr.	Versicherten-Nr.	Status
Betriebsstätten-Nr.	Arzt-Nr.	Datum

<input type="checkbox"/> Kurativ	<input type="checkbox"/> Präventiv	<input type="checkbox"/> Behandl. gemäß §116 b SGB V	<input type="checkbox"/> bei belegärztl. Behandlung	Quartal [ ][ ][ ][ ]
<input type="checkbox"/> Unfall Unfallfolgen	Datum der OP bei Leistungen nach Abschnitt 31.2		[ ][ ][ ][ ][ ][ ]	Geschlecht [ ][ ]
Überweisung an [ ]				
<input type="checkbox"/> Ausführung von Auftragsleistungen	<input type="checkbox"/> Konsiliar-untersuchungen	<input type="checkbox"/> Mit-/Weiter-behandlung	AU bis [ ][ ][ ][ ][ ]	
<input type="checkbox"/> eingeschränkter Leistungsanspruch gemäß §16 Abs. 3a SGB V				



**PATHOLOGIE TRIER**

Histologie. Zytologie. Molekulare Diagnostik.

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose in Kopie beilegen)



## Diagnostik Lymphome / B-, T-Zell-Neoplasien / Leukämien / Myeloproliferative Neoplasien / Mastozytose

- |   |  |  |
|---|--|--|
| <input type="checkbox"/> <b>B-Zell-Rezeptor IGH</b> (FR1-3) Klonalitätsanalyse                | <b>EBV Diagnostik</b>  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>T-Zell-Rezeptor <math>\gamma</math></b> (TCRG) Klonalitätsanalyse | <input type="checkbox"/> <b>EBER-SISH</b>                                    |  |
| <input type="checkbox"/> <b><math>\kappa/\lambda</math>-Leichtketten-SISH</b>                 | <input type="checkbox"/> <b>EBV-PCR</b> (Panel inkl. HSV1/2, VZV, CMV, HHV6) |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGH-Rearrangement</b> (14q32)                                     |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>BCL2-Rearrangement</b> (18q21)                                    |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>BCL6-Rearrangement</b> (3q27)                                     |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>MYC-Rearrangement</b> (8q24)                                      |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGH-MYC- Translokation</b> t(8;14)(q24;q32)                       | Burkitt-Lymphom  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGL-Rearrangement</b> (22q11)                                     | Burkitt-Lymphom  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGK-Rearrangement</b> (2p11)                                      | Burkitt-Lymphom  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>MALT1-Rearrangement</b> (8q21.32)                                 | Marginalzonenlymphom   |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGH-CCND1-Translokation</b> t(11;14)(q13;q32)                     | Mantelzell-Lymphom   |  |
| <input type="checkbox"/> <b>IGH-BCL2-Translokation</b> t(14;18)(q32;q21)                      | Follikuläres Lymphom   |  |
| <input type="checkbox"/> <b>MYB-Rearrangement</b> (6q23.3)                                    | T-Zell-Lymphome/Leukämien  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>TP53-Deletion</b> (17p13)   |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>BCR-ABL-Translokation</b> t(9;22)(q34;q11)                        | Chronische myeloische Leukämie   |  |
| <input type="checkbox"/> <b>MPN Assay</b>   | Myeloproliferative Neoplasien  |  |
| <b>CALR</b> Exon 9  |  |  |
| <b>JAK2</b> Exon 14   |  |  |
| <b>MPL</b> Exon 10  |  |  |
| <input type="checkbox"/> <b>Mastozytose</b> KIT D816V   |  |  |

### Komplexe Mutationsanalyse (NGS):

- ☐ **Hematological Tumor DNA Panel\*** basierend auf OncoDEEP Kit DNA NGS Panel\*

Vertragsarztstempel / Unterschrift des Arztes

**Materialannahme**

**Erfassen**

**Allgem. Labor**

**Mol. Auswertung**

**Pathologe**

**Präparat-Nr. Einsender**

**Fall-Nr. MVZ Trier**

**\*Erläuterungen siehe Rückseite**

**Befund per Fax**

**Faxnummer:** [ ]

**Telefon:** [ ]

**Ansprechpartner:** [ ]

### BITTE UNBEDINGT ANKREUZEN

**AMBULANT**

oder

**BELEGARZT**

**IGEL**

**Hybrid DRG**

Angabe Hybrid-Nr.: [ ]

**STATIONÄR**

**Regelleistung**

oder

**ärztl. Wahlleistung**

**MVZ für Histologie, Zytologie und Molekulare Diagnostik Trier GmbH**

Registernummer HRB 44346 · Amtsgericht Wittlich

**Ärztliche Leiter:**

Prof. Dr. med. Torsten Hansen · PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto

**Geschäftsführung:**

Prof. Dr. med. Bernd Klosterhalfen · Prof. Dr. med. Veit Krenn · Prof. Dr. med. Dr. phil. Jörg Kriegsmann

PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto · Dr. rer. nat. Petra Wandernoth (Sprecherin der Geschäftsführung)

**Max-Planck-Str. 17 · 54296 Trier · Postfach 2460 · 54214 Trier**

Tel.: 0651 / 948 714 000 · Fax: 0651 / 948 714 098 · Email: mol@patho-trier.de

Hotline für Transportdienstleistungen: 0800 / 1110012

**Leistungserfassung**

(vom Pathologen auszufüllen)

**M**

☐

**T**

☐

**Eingangs-Datum**

(vom Pathologen auszufüllen)

FB - Anlage 37\_2.28 BGA hämatologische Diagnostik Molekularpathologie 251021

**Hematological Tumor Panel DNA** basierend auf **OncoDEEP® Kit DNA NGS Panel**:

Das OncoDeep® Panel (OncoDNA) umfasst grundsätzlich die vollsequenzierte Analyse von 628 Genen. Aufgrund der spezifischen klinischen Fragestellung werden in diesem Panel ausschließlich **155** tumorrelevante Gene analysiert, die zusammengefasst als Hematological Tumor DNA Panel bezeichnet werden. Analyse inkl. **TMB, HRD-, MSI**-Status.

**Genliste DNA-Analyse:**

ALK, ASXL1, ASXL2, ATM, ATRX, BCL2, BCL6, BCOR, BCORL1, BCR, BIRC3, BRAF, CALR, CARD11, CBL, CCND1, CCND2, CCND3, CD79A, CD79B, CDK4, CDK6, CDK7, CDK8, CDKN1A, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CDKN2C, CEBPA, CENPA, CHD2, CHD4, CREBBP, CRLF2, CSF1R, CSF3R, CSNK1A1, CTLA4, CUX1, DDX41, DNMT3A, DNMT3B, DUSP4, EIF1AX, EIF4A2, EIF4E, ERG, ETV1, ETV4, ETV5, ETV6, EZH1, EZH2, FBXW7, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT1, FLT3, FLT4, FOXP1, FYN, GATA1, GATA2, GATA3, GATA4, GATA6, GNB1, IDH1, IDH2, IKZF1, IRF2, IRF4, JAK1, JAK2, JAK3, KAT6A, KIT, KMT2A, KMT2B, KMT2C, KMT2D, KRAS, MPL, MALT1, MYC, MYCL, MYCN, MYD88, NFKBIA, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, NOTCH4, NPM1, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUP93, P2RY8, PAX3, PAX5, PAX7, PAX8, PDGFRA, PDGFRB, PHF6, PI3K, PLCG2, PPM1D, PRDM1, PRDM14, PTEN, PTPN11, PTPRD, PTPRS, PTPRT, RAD21, RARA, RBM10, RHOA, ROS1, RUNX1, RUNX1T1, SETBP1, SETD2, SF3B1, SH2B3, SMC1A, SMC3, SRSF2, STAG1, STAG2, STAT3, STAT4, STAT5A, STAT5B, SUZ12, TCF3, TET1, TET2, TNFAIP3, TP53, TP63, U2AF1, WT1, XPO1, ZRSR2