

Begutachtungsauftrag Tumordiagnostik Molekularpathologie

Krankenkasse bzw. Kostenträger

Name, Vorname des Versicherten

geb.am

Kassen-Nr. Versicherten-Nr. Status

Betriebsstätten-Nr. Arzt-Nr. Datum

Quartal

Kurativ Präventiv Behandl. gemäß §116 b SGB V bei belegärztl. Behandlung

Unfall Unfallsfolgen Datum der OP bei Leistungen nach Abschnitt 31.2

Überweisung an

Ausführung von Auftragsleistungen Konsiliar-untersuchungen Mit-/Weiterbehandlung

eingeschränkter Leistungsanspruch gemäß §16 Abs. 3a SGB V

Geschlecht

AU bis



PATHOLOGIE TRIER

Histologie. Zytologie. Molekulare Diagnostik.

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose in Kopie beilegen)

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose in Kopie beilegen)



Lungenkarzinom

Oncomine Focus Assay DNA/RNA-basiertes NGS Panel* inkl. EGFR, BRAF, KRAS, ALK, ROS1, MET, RET, NTRK1/2/3, METexon14 Skipping

EGFR-Mutation (Exon 18-21) NTRK1/2/3 Rearrangement FGFR1-Amplifikation

EGFR T790M (TKI-Res.) ALK- Rearrangement (2p23.2-p23.1) MET-Amplifikation

BRAF-Mutation (Exon 15) ROS1 Rearrangement (6q22.1) HER2-Amplifikation (IHC beifügen)

KRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4) RET Rearrangement (10q11.21) PD1-IHC

PIK3CA-Mutation (Exon 9, 20) MAML2 Rearrangement (11q21) PD-L1-IHC

METexon14-Skipping

Kolonkarzinom

Kolon Assay: KRAS (Exon 2, 3, 4), NRAS (Exon 2, 3, 4), BRAF (Exon 15), PIK3CA (Exon 9, 20)

KRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4) EGFR-Amplifikation DNA-Repairenzyme MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (IHC)

NRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4) MLH1-Methylierung Mikrosatelliteninstabilität-PCR (Tumor- und Normalgewebe)

BRAF-Mutation (Exon 15)

PIK3CA-Mutation (Exon 9, 20)

<p>Gastrointestinale Tumoren</p> <p><input type="checkbox"/> KIT-Mutation (Exon 9, 11, 14, 13, 17)</p> <p><input type="checkbox"/> PDGFRA-Mutation (Exon 12, 18)</p> <p><input type="checkbox"/> HER2-Amplifikation bei Magen-, Ösophaguskarzinom (IHC beifügen)</p> <p><input type="checkbox"/> HER2-IHC</p>	<p>Schilddrüsenkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15)</p> <p><input type="checkbox"/> RET-Rearrangement (10q11.21)</p> <p><input type="checkbox"/> PPARG-Rearrangement (3p25.2)</p> <p><input type="checkbox"/> microRNA-Panel</p>
<p>Malignes Melanom</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15) <input type="checkbox"/> PD1-IHC</p> <p><input type="checkbox"/> KIT-Mutation (Exon 9, 11, 13, 17) <input type="checkbox"/> PD-L1-IHC</p> <p><input type="checkbox"/> NRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4)</p> <p><input type="checkbox"/> Melanom-FISH*</p>	<p>Hirntumore</p> <p><input type="checkbox"/> IDH1/2-Mutation (Exon 4)</p> <p><input type="checkbox"/> 1p/19q-Deletion</p> <p><input type="checkbox"/> MYCN- (N-Myc-) Amplifikation</p> <p><input type="checkbox"/> MGMT-Methylierung</p> <p><input type="checkbox"/> EGFR-Amplifikation</p>

Urothel-, Nierenzell-, Prostatakarzinom, Peritonealkarzinose

BRCA1-, BRCA2- Mutation*

UroVysion-FISH*

MET-Mutation (Exon 16-19) (Tumor- und Normalgewebe)

FGFR3-Rearrangement (4p16.3)

TFE3-Rearrangement (Xp11.23)

ERG-Rearrangement (21q22.2)

PD1-IHC

PD-L1-IHC

Pankreaskarzinom

BRCA1-, BRCA2- Mutation*

KRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4)

NRAS-Mutation (Exon 2, 3, 4)

DNA-Repairenzyme MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (IHC)

Mikrosatelliteninstabilität-PCR (Tumor- und Normalgewebe)

Kopf-Hals-Platteneithelkarzinom

HPV-PCR

Entitätsunabhängig

NTRK1/2/3 Rearrangement

PD1-IHC Entität angeben _____

PD-L1-IHC Entität angeben _____

DNA-Repairenzyme MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (IHC)

Mikrosatelliteninstabilität-PCR (Tumor- und Normalgewebe)

Gewebeidentität

Komplexe NGS-Mutationsanalyse

Oncomine Focus Assay **52 Gene***

Oncomine Comprehensive Assay v3 **161 Gene***

Vertragsarztstempel / Unterschrift des Arztes

Materialannahme

Erfassen

Allgem. Labor

Mol. Auswertung

Pathologe

Präparat-Nr. Einsender

Fall-Nr. MVZ Trier

***Erläuterungen siehe Rückseite**

Befund per Fax

Faxnummer: _____

Telefon: _____

Ansprechpartner: _____

BITTE UNBEDINGT ANKREUZEN!

AMBULANT STATIONÄR

oder

BELEGARZT Regelleistung

oder

IGEL ärztl. Wahlleistung

MVZ für Histologie, Zytologie und Molekulare Diagnostik Trier GmbH
 Registernummer HRB 44346 · Amtsgericht Wittlich
 Ärztliche Leiter:
 Prof. Dr. med. Torsten Hansen · PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto
 Geschäftsführung:
 Prof. Dr. med. Bernd Klosterhalfen · Prof. Dr. med. Veit Krenn · Prof. Dr. med. Dr. phil. Jörg Kriegsmann
 PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto · Dr. rer. nat. Petra Wandernoth (Sprecherin der Geschäftsführung)
Max-Planck-Str. 17 · 54296 Trier · Postfach 2460 · 54214 Trier
 Tel.: 0651 / 948 714 000 · Fax: 0651 / 948 714 098 · Email: mol@patho-trier.de
 Hotline für Transportdienstleistungen: 0800 / 1110012

Leistungserfassung
 (vom Pathologen auszufüllen)

M T

Eingangs-Datum
 (vom Pathologen auszufüllen)

FB - Anlage 27_28 BGA Tumordiagnostik Molekularpathologie 240125

Erläuterungen

UroVision-Multicolor-FISH-Testsystem

Simultaner DNA-Hybridisierungstest zum Aneuploidienachweis der Chromosomen 3, 7 und 17 sowie der Region 9p21 bei Verdacht auf Harnblasenkarzinom. Sensitivität und Spezifität >90%

Melanom-Multicolor-FISH:

Simultaner DNA-Hybridisierungstest zur Kopiezahl-Bestimmung der Gene RREB1, MYB und CCND1 und Chromosom 6. Eine Untersuchung gilt als FISH-positiv für ein Melanom, wenn:

1. die mittlere Anzahl an CCND1-Signalen/Kern oder die mittlere Anzahl von MYB-Signalen/Kern $\geq 2,5$ beträgt, oder
2. der prozentuale Verlust von MYB in Relation zu CEP6 $\geq 31\%$ beträgt, oder
3. der prozentuale Anteil atypischer Zellkerne für RREB1 $\geq 63\%$ beträgt

Die Spezifität beträgt 94% bei einer Sensitivität von 92%.

BRCA1/2-Mutationsanalyse

Die Untersuchung fällt nicht unter das Gendiagnostikgesetz (GenDG), da sie die Feststellung einer genetischen Eigenschaft (Merkmalsträgerschaft aufgrund einer Keimbahnmutation) nicht beabsichtigt und nicht ermöglicht.

Thermo Fisher Oncomine Focus Assay DNA/RNA-basiert

Hotspot-Mutationen: 35 Gene

AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB (HER)2/3/4, ESR1, FGFR2/3, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1/2, JAK1/2/3, KIT, KRAS, MAP2K1/2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO

Erhöhte DNA-Kopiezahl: 19 Gene

ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4/6, EGFR, ERBB2(HER2), FGFR1/2/3/4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA

Fusionstranskripte: 23 Gene

ABL1, AKT3, ALK, AXL, BRAF, ERG, ETV1/4/5, EGFR, ERBB2, FGFR1/2/3, MET, NTRK1/2/3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1

ThermoFisher Oncomine Comprehensive Assay v3 DNA/RNA basiert

Hotspot-Mutationen: 87 Gene

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AXL, BRAF, BTK, CBL, CCND1, CDK4, CDK6, CHEK2, CSF1R, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ERCC2, ESR1, EZH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FOXL2, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3F3A, HIST1H3B, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KNSTRN, KRAS, MAGOH, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAPK1, MAX, MDM4, MED12, MET, MTOR, MYC, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPP2R1A, PTPN11, RAC1, RAF1, RET, RHEB, RHOA, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO, SPOP, SRC, STAT3, TERT, TOP1, UZF1, XPO1

Erhöhte DNA-Kopiezahl: 43 Gene

AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, AXL, BRAF, CCND1, CCND2, CCND3, CCNE1, CDK2, CDK4, CDK6, EGFR, ERBB2, ESR1, FGF19, FGF3, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, IGF1R, KIT, KRAS, MDM2, MDM4, MET, MYC, MYCL, MYCN, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPARG, RICTOR, TERT

Fusionstranskripte : 51 Gene

AKT2, ALK, AR, AXL, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGR, FLT3, JAK2, KRAS, MDM4, MET, MYB, MYBL1, NF1, NOTCH1, NOTCH4, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PPARG, PRKACA, PRKACB, PTEN, RAD51B, RAF1, RB1, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, TERT

Komplett abgedeckte Gene: 48

ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BRCA1, BRCA2, CDK12, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CREBBP, FANCA, FANCD2, FANCI, FBXW7, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, PALB2, PIK3R1, PMS2, POLE, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51C, RAD51D, RAD51B, RB1, RNF43, SETD2, SLX4, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1, TSC2