

# Begutachtungsauftrag Gynäkologische Molekularpathologie

|                                |                  |        |
|--------------------------------|------------------|--------|
| Krankenkasse bzw. Kostenträger |                  |        |
| Name, Vorname des Versicherten |                  |        |
| geb.am                         |                  |        |
| Kassen-Nr.                     | Versicherten-Nr. | Status |
| Betriebsstätten-Nr.            | Arzt-Nr.         | Datum  |

|                                                                                    |                                                   |                                                      |                                                     |                                  |
|------------------------------------------------------------------------------------|---------------------------------------------------|------------------------------------------------------|-----------------------------------------------------|----------------------------------|
| <input type="checkbox"/> Kurativ                                                   | <input type="checkbox"/> Präventiv                | <input type="checkbox"/> Behandl. gemäß §116 b SGB V | <input type="checkbox"/> bei belegärztl. Behandlung | <input type="checkbox"/> Quartal |
| <input type="checkbox"/> Unfall Unfallfolgen                                       | Datum der OP bei Leistungen nach Abschnitt 31.2   |                                                      | <input type="checkbox"/> Geschlecht                 | <input type="checkbox"/>         |
| Überweisung an                                                                     |                                                   |                                                      |                                                     |                                  |
| <input type="checkbox"/> Ausführung von Auftragsleistungen                         | <input type="checkbox"/> Konsiliar-untersuchungen | <input type="checkbox"/> Mit-/Weiter-behandlung      | <input type="checkbox"/> AU bis                     | <input type="checkbox"/>         |
| <input type="checkbox"/> eingeschränkter Leistungsanspruch gemäß §16 Abs. 3a SGB V |                                                   |                                                      |                                                     |                                  |



**PATHOLOGIE TRIER**

Histologie. Zytologie. Molekulare Diagnostik.

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose in Kopie beilegen)

|  |
|--|
|  |
|  |



## Tumordiagnostik

### Mammakarzinom

- ☐ BRCA Assay  
BRCA1-, BRCA2-Mutation
- ☐ AmoyDx HRD Focus Panel\*  
BRCA1-, BRCA2-Mutation  
HRD-Status
- ☐ AKT1-Mutation (Exon 3,4)
- ☐ PIK3CA-Mutation (Exon 2,3,5,6,8-10,14,21)
- ☐ PTEN-Mutation (komplette kodierende Sequenz)
- ☐ HER2-Amplifikation
- ☐ PD-L1-IHC

### LiquidBiopsy\*

- stabil bei RT bis max. 7 Tage nach Entnahmedatum
- ☐ ESR1-Mutation (Exon 5,7,8)
- ☐ PIK3CA-Mutation (Exon 7,9,20)

### Genexpressionstests:

- ☐ EndoPredict Test\*  
(siehe Rückseite)
- ☐ Oncotype DX Test\* (siehe Rückseite)

### Endometriumkarzinom

- ☐ POLE-Mutation (Exon 3-14, 19)
- ☐ TP53-Mutation (Exon 2-11)
- ☐ CTNNB1-(β-Catenin-) Mutation (Exon 3)
- ☐ MLH1-Methylierung
- ☐ Mikrosatelliteninstabilität-PCR  
(Tumor- und Normalgewebe erforderlich)
- ☐ DNA-Repairenzyme MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (IHC)
- ☐ L1CAM-IHC
- ☐ p53-IHC

### Ovarialkarzinom

- ☐ BRCA Assay\*  
BRCA1-, BRCA2-Mutation
- ☐ AmoyDx HRD Focus Panel\*  
BRCA1-, BRCA2-Mutation  
HRD-Status
- ☐ FOLR1-IHC

### Endometriales Stromasarkom

- ☐ JAZF1 (7p15.2-p15.1)

Auf Wunsch komplexe Mutationsanalyse (NGS):

- ☐ AmoyDx HANDLE HRR Panel\*
- ☐ AmoyDx HANDLE Classic Panel\* (inkl. AKT1, PIK3CA, PTEN)
- ☐ Oncomine Focus Assay
- ☐ Oncomine Comprehensive Assay v3

32 Gene\*  
40 Gene\*  
52 Gene\*  
161 Gene\*

## HPV-Diagnostik

- ☐ HPV-Screening High Risk Varianten (Abstrichmaterial; Cobas5800)
- ☐ HPV-Subtypisierung (FFPE-Gewebe; MALDI-TOF)

## Chromosomale Aberrationen

### Plazenta

- ☐ AneuVysion-FISH-Test (13, 18, 21, X, Y)

\*Erläuterungen siehe Rückseite

Befund per Fax

☐

Faxnummer: \_\_\_\_\_

Telefon: \_\_\_\_\_

Ansprechpartner: \_\_\_\_\_

### BITTE UNBEDINGT ANKREUZEN!

AMBULANT

☐

oder

BELEGARZT

☐

IGEL

☐

Hybrid DRG

☐

Angabe Hybrid-Nr.:

STATIONÄR

☐

Regelleistung

☐

oder

ärztl. Wahlleistung

☐

Vertragsarztstempel / Unterschrift des Arztes

Materialannahme

Erfassen

Allgem. Labor

Mol. Auswertung

Pathologe

Präparat-Nr. Einsender

|  |
|--|
|  |
|--|

Fall-Nr. MVZ Trier

|  |
|--|
|  |
|--|

MVZ für Histologie, Zytologie und Molekulare Diagnostik Trier GmbH

Registernummer HRB 44346 · Amtsgericht Wittlich

Ärztliche Leiter:

Prof. Dr. med. Torsten Hansen · PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto

Geschäftsführung:

Prof. Dr. med. Bernd Klosterhalfen · Prof. Dr. med. Veit Krenn · Prof. Dr. med. Dr. phil. Jörg Kriegsmann

PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto · Dr. rer. nat. Petra Wandernoth (Sprecherin der Geschäftsführung)

Max-Planck-Str. 17 · 54296 Trier · Postfach 2460 · 54214 Trier

Tel.: 0651 / 948 714 000 · Fax: 0651 / 948 714 098 · Email: mol@patho-trier.de

Hotline für Transportdienstleistungen: 0800 / 1110012

Leistungserfassung

(vom Pathologen auszufüllen)

M

☐

T

☐

Eingangs-Datum

(vom Pathologen auszufüllen)

FB - Anlage 36\_228 BGA gynäkologische Diagnostik  
Molekularpathologie 251021

Erläuterungen

|                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                   |
|-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| <p><b>AmoyDx HRD Focus Panel</b> DNA-basiert<br/>BRCA1-, BRCA2-Mutationsanalyse, Bestimmung des HRD-Status anhand von mehr als 20.000 SNPs durch Ermittlung eines <i>genomic scar scores</i> (GSS)</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                            |
| <p><b>EndoPredict Test</b><br/>Bitte gesonderten Begutachtungsauftrag ausfüllen.</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                              |
| <p><b>Oncotype DX Test</b> Bitte kontaktieren Sie zur Anforderung des Test Exact Science.<br/>Informationen zum Test und zur Bestellung unter:<br/><b>Tel.: +49 69 902 349 96</b><br/><b>E-Mail: support@oncotypedx.de</b><br/>Gerne helfen wir Ihnen persönlich bei generellen Fragen zum Ablauf weiter.</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                     |
| <p><b>Liquid Biopsy</b><br/>Die histologischen Befunde des Primärtumors und ggf. der Metastase(n) sind beizugefügen.<br/>Anhand der in der Blutprobe enthaltenen zellfreien Tumor-DNA wird eine Mutationsanalyse des ESR1-Gens und/oder des PIK3CA-Gens durchgeführt.<br/><b>Droplex ESR1 Mutation Test (Biotype)</b><br/>Nachweis von 16 definierten Mutationen in der Liganden-Bindungsdomäne des ESR1-Gens<br/><b>Exon 5:</b> E380Q<br/><b>Exon 7:</b> S463P<br/><b>Exon 8:</b> V534E, L536P/R/Q/H, Y537S/C/N/H/D, D538G<br/><b>Droplex PIK3CA Mutation Test (Biotype)</b><br/>Nachweis der 11 definierten Mutationen innerhalb der katalytischen a-Untereinheit des PI3K-Gens<br/><b>Exon 7:</b> C420R<br/><b>Exon 9:</b> E542K, E545K/A/G/D, Q546E/R<br/><b>Exon 20:</b> H1047R/L/Y</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
| <p><b>AmoyDx HANDLE Classic Panel</b><br/><b>DNA-Varianten: 34 Gene</b><br/>AKT1, ALK, BRAF, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2 (HER2), ESR1, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, HRAS, IDH1, IDH2, KEAP1, KIT, KRAS, MAP2K1, MET, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PIK3CA, POLE, PTEN, RB1, RET, ROS1, STK11, TP53<br/><b>Erhöhte DNA-Kopiezahl: 5 Gene</b><br/>CDK4, ERBB2 (HER2), MET, MYC, NKX2-1<br/><b>Fusionstranskripte: 10 Gene</b><br/>ALK, FGFR1, FGFR2, FGFR3, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, RET, ROS1</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
| <p><b>AmoyDx HANDLE HRR Panel</b> DNA-basiert<br/>DNA-Varianten in <b>27 HRR-Genen</b> (AR, ATM, ATR, BARD1, BRCA1, BRCA2, BRIP1, CDH1, CDK12, CHEK1, CHEK2, ESR1, FANCA, FANCL, HDAC2, HOXB13, MRE11, NBN, PALB2, PPP2R2A, PTEN, RAD51B, RAD51C, RAD51D, RAD54L, STK11, TP53) und <b>5 Hotspotregionen</b> (BRAF, ERBB2 (HER2), KRAS, NRAS, PIK3CA)</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                          |
| <p><b>Thermo Fisher Oncomine Focus Assay</b> DNA/RNA-basiert<br/><b>Hotspot-Mutationen: 35 Gene</b><br/>AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB (HER)2/3/4 ESR1, FGFR1/2, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1/2, JAK1/2/3, KIT, KRAS, MAP2K1/2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO<br/><b>Erhöhte DNA-Kopiezahl: 19 Gene</b><br/>ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4/6, EGFR, ERBB2(HER2), FGFR1/2/3/4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA<br/><b>Fusionstranskripte: 23 Gene</b><br/>ABL1, AKT3, ALK, AXL, BRAF, ERG, ETV1/4/5, EGFR, ERBB2, FGFR1/2/3, MET, NTRK1/2/3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1</p>                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                                      |
| <p><b>ThermoFisher Oncomine Comprehensive Assay v3</b> DNA/RNA basiert<br/><b>Hotspot-Mutationen: 87 Gene</b><br/>AKT1, AKT2, AKT3, ALK, AR, ARAF, AXL, BRAF, BTK, CBL, CCND1, CDK4, CDK6, CHEK2, CSF1R, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB2, ERBB3, ERBB4, ERCC2, ESR1, EZH2, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGFR4, FLT3, FOXL2, GATA2, GNA11, GNAQ, GNAS, H3F3A, HIST1H3B, HNF1A, HRAS, IDH1, IDH2, JAK1, JAK2, JAK3, KDR, KIT, KNSTRN, KRAS, MAGOH, MAP2K1, MAP2K2, MAP2K4, MAPK1, MAX, MDM4, MED12, MET, MTOR, MYC, MYCN, MYD88, NFE2L2, NRAS, NTRK1, NTRK2, NTRK3, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PIK3CB, PPP2R1A, PTPN11, RAC1, RAF1, RET, RHEB, RHOA, ROS1, SF3B1, SMAD4, SMO, SPOP, SRC, STAT3, TERT, TOP1, U2AF1, XPO1<br/><b>Erhöhte DNA-Kopiezahl: 43 Gene</b><br/>AKT2, ALK, AR, AXL, BRAF, BRCA1, BRCA2, CDKN2A, EGFR, ERBB2, ERBB4, ERG, ESR1, ETV1, ETV4, ETV5, FGFR1, FGFR2, FGFR3, FGR, FLT3, JAK2, KRAS, MDM4, MET, MYB, MYBL1, NF1, NOTCH1, NOTCH4, NRG1, NTRK1, NTRK2, NTRK3, NUTM1, PDGFRA, PDGFRB, PIK3CA, PPARG, PRKACA, PRKACB, PTEN, RAD51B, RAF1, RB1, RELA, RET, ROS1, RSPO2, RSPO3, TERT<br/><b>Komplett abgedeckte Gene: 48</b><br/>ARID1A, ATM, ATR, ATRX, BAP1, BRCA1, BRCA2, CDK12, CDKN1B, CDKN2A, CDKN2B, CHEK1, CREBBP, FANCA, FANCD2, FANCI, FBXW7, MLH1, MRE11, MSH2, MSH6, NBN, NF1, NF2, NOTCH1, NOTCH2, NOTCH3, PALB2, PIK3R1, PMS2, POLE, PTCH1, PTEN, RAD50, RAD51, RAD51C, RAD51D, RAD51B, RB1, RNF43, SETD2, SLX4, SMARCA4, SMARCB1, STK11, TP53, TSC1, TSC2</p> |