

Begutachtungsauftrag molekulare Tumordiagnostik

Krankenkasse bzw. Kostenträger

Name, Vorname des Versicherten

geb.am

Kassen-Nr. Versicherten-Nr. Status

Betriebsstätten-Nr. Arzt-Nr. Datum

Quartal

Kurativ Präventiv Behndl. gemäß §116 b SGB V bei belegärztl. Behandlung

Unfall Unfallsfolgen Datum der OP bei Leistungen nach Abschnitt 31.2

Überweisung an

Ausführung von Auftragsleistungen Konsiliaruntersuchungen Mit-/Weiterbehandlung AU bis

eingeschränkter Leistungsanspruch gemäß §16 Abs. 3a SGB V

Diagnose/Verdachtsdiagnose - Fragestellung (histologische Diagnose möglichst in Kopie beilegen)

MVZ TRIER
Histologie • Zytologie
Molekulare Diagnostik



<p>Mammakarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> HER2-Amplifikation (IHC beifügen)</p> <p><input type="checkbox"/> PIK3CA-Mutation (Exon 9,20)</p> <p>Magen-/Ösophaguskarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> HER2-Amplifikation (IHC beifügen) <input type="checkbox"/> HER2-IHC</p> <p>Kolonkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> KRAS-Mutation (Exon 2,3,4)</p> <p><input type="checkbox"/> NRAS-Mutation (Exon 2,3,4)</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15)</p> <p><input type="checkbox"/> PIK3CA-Mutation (Exon 9,20)</p> <p><input type="checkbox"/> EGFR-Amplifikation</p> <p><input type="checkbox"/> MLH1-Methylierung</p> <p><input type="checkbox"/> Reparaturenzyme MLH1, MSH2, MSH6, PMS2 (IHC)</p> <p><input type="checkbox"/> Mikrosatelliten-PCR (Tumor- und Normalgewebe)</p> <p>Lungenkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> KRAS-Mutation (Exon 2,3,4)</p> <p><input type="checkbox"/> EGFR-Mutation (Exon 18-21) <input type="checkbox"/> T790M (TKI-Res.)</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15)</p> <p><input type="checkbox"/> ALK-Rearrangement (2p23.2-p23.1)</p> <p><input type="checkbox"/> ROS1 Rearrangement (6q22.1)</p> <p><input type="checkbox"/> RET-Rearrangement (10q11.21)</p> <p><input type="checkbox"/> MAML2-Rearrangement (11q21)</p> <p><input type="checkbox"/> FGFR1-Amplifikation</p> <p><input type="checkbox"/> MET-Amplifikation</p> <p>Tumorentitäts-unabhängig</p> <p><input type="checkbox"/> Komplexe NGS-Mutationsanalyse (siehe Rückseite)</p> <p><input type="checkbox"/> NTRK1/2/3 Rearrangement</p> <p><input type="checkbox"/> PD1-IHC</p> <p><input type="checkbox"/> PD-L1-IHC (Entität ankreuzen bzw. angeben):</p> <p><input type="checkbox"/> Mamma-Ca <input type="checkbox"/> Urothel-Ca <input type="checkbox"/> NSCLC <input type="checkbox"/> Melanom <input type="checkbox"/> Sonstige Entität: _____</p> <p>Urothelkarzinom/Nierenzellkarzinom (hereditär)</p> <p><input type="checkbox"/> UroVysion-FISH</p> <p><input type="checkbox"/> MET-Mutation (Exon 16-19) (Tumor- und Normalgewebe)</p> <p><input type="checkbox"/> TFE3-Rearrangement (Xp11.23)</p> <p>Schilddrüsenkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15)</p> <p><input type="checkbox"/> RET-Rearrangement (10q11.21)</p> <p><input type="checkbox"/> PPARG-Rearrangement (3p25.2)</p> <p><input type="checkbox"/> microRNA-Panel</p> <p>GIST</p> <p><input type="checkbox"/> KIT-Mutation (Exon 9,11,13,17)</p> <p><input type="checkbox"/> PDGFRA-Mutation (Exon 12,18)</p>	<p>Malignes Melanom</p> <p><input type="checkbox"/> BRAF-Mutation (Exon 15)</p> <p><input type="checkbox"/> KIT-Mutation (Exon 9,11,13,17)</p> <p><input type="checkbox"/> NRAS-Mutation (Exon 2,3,4)</p> <p><input type="checkbox"/> Melanom-FISH</p> <p>Prostatakarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> ERG-Rearrangement (21q22.2)</p> <p>Hämatologische Neoplasien</p> <p><input type="checkbox"/> Klonalitätsanalyse B-Zell-Rezeptor IGH (FR1-3)</p> <p><input type="checkbox"/> Klonalitätsanalyse T-Zell-Rezeptor γ (TCRG)</p> <p><input type="checkbox"/> κ/λ-Leichtketten-SISH</p> <p><input type="checkbox"/> IGH-Rearrangement (14q32)</p> <p><input type="checkbox"/> BCL2-Rearrangement (18q21)</p> <p><input type="checkbox"/> BCL6-Rearrangement (3q27)</p> <p><input type="checkbox"/> MYC-Rearrangement (8q24)</p> <p><input type="checkbox"/> MALT1-Rearrangement (18q21.32)(MZL)</p> <p><input type="checkbox"/> Translokation (t(11;14)(q13;q32) (MCL)</p> <p><input type="checkbox"/> Translokation (t(14;18)(q32;q21) (FCL)</p> <p><input type="checkbox"/> Translokation t(9;22)(q34;q11) (CML)</p> <p><input type="checkbox"/> TP53-Deletion (17p13)</p> <p><input type="checkbox"/> KIT-Mutation D816V (Mastozytose)</p> <p><input type="checkbox"/> JAK2-Mutation (Exon 14)</p> <p><input type="checkbox"/> MPL-Mutation (Exon 10)</p> <p><input type="checkbox"/> CALR-Mutation (Exon 9)</p> <p>Sarkome</p> <p><input type="checkbox"/> MDM2-Amplifikation</p> <p><input type="checkbox"/> EWSR1-Rearrangement (22q12.2)</p> <p><input type="checkbox"/> SYT- (SS18-)Rearrangement (18q11.2)</p> <p><input type="checkbox"/> FUS-Rearrangement (16p11.2)</p> <p><input type="checkbox"/> CHOP- (DDIT3-) Rearrangement (12q13.3)</p> <p><input type="checkbox"/> JAZF1-Rearrangement (7p15.2-p15.1)</p> <p><input type="checkbox"/> COL1A1/PDGFB Translokation (t(17;22)(q21;13)</p> <p><input type="checkbox"/> CTNNB1- (β-catenin-) Mutation (Exon 3)</p> <p><input type="checkbox"/> MYC-Amplifikation</p> <p>Hirntumore</p> <p><input type="checkbox"/> IDH1/2-Mutation (Exon 4)</p> <p><input type="checkbox"/> 1p19q-Deletion</p> <p><input type="checkbox"/> MYCN- (N-Myc-) Amplifikation</p> <p><input type="checkbox"/> MGMT-Methylierung</p> <p>Ovarialkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> BRCA1/2-Mutation (siehe Rückseite)</p> <p>Kopf-Hals-Plattenepithelkarzinom / Zervixkarzinom</p> <p><input type="checkbox"/> HPV-PCR/Chip (FFPE-Material)</p>
--	---

Vertragsarztstempel / Unterschrift des Arztes

Materialannahme	
Erfassen	
Allgem. Labor	
Mol. Auswertung	
Pathologe	
Fallnummer extern	
Fallnummer MVZ Trier	

Befund per Fax

Faxnummer: _____

Telefon: _____

Ansprechpartner: _____

BITTE UNBEDINGT ANKREUZEN!

AMBULANT STATIONÄR

oder

BELEGARZT Regelleistung

oder

IGEL ärztl. Wahlleistung

MVZ für Histologie, Zytologie und Molekulare Diagnostik Trier GmbH

Ärztlicher Leiter/Geschäftsführer: Prof. Dr. med. Dr. phil. Jörg Kriegsmann - PD Dr. med. habil. Dipl.-Med. Mike Otto
Geschäftsführer: Prof. Dr. med. Veit Krenn - Prof. Dr. med. Bernd Klosterhalfen

Max-Planck-Str. 17 · 54296 Trier · Postfach 2806 · 54218 Trier

Tel.: 0651/1461830 · Fax: 0651/14618323 · Email: labor@molekularpatho-trier.de
Hotline für Transportdienstleistungen Tel.: 0800 / 1110012

Leistungserfassung
(vom Pathologen auszufüllen)

M T

Eingangs-Datum
(vom Pathologen auszufüllen)

FB - Anlage 27_2,28 BGA Tumorgenetik 191202

Erläuterungen

UroVysion-Multicolor-FISH-Testsystem

Simultaner DNA-Hybridisierungstest zum Aneuploidienachweis der Chromosomen 3, 7 und 17 sowie der Region 9p21 bei Verdacht auf Harnblasenkarzinom. Sensitivität und Spezifität >90%

Melanom-Multicolor-FISH:

Simultaner DNA-Hybridisierungstest zur Kopiezahl-Bestimmung der Gene RREB1, MYB und CCND1 und Chromosom 6. Eine Untersuchung gilt als FISH-positiv für ein Melanom, wenn:

1. die mittlere Anzahl an CCND1-Signalen/Kern oder die mittlere Anzahl von MYB-Signalen/Kern $\geq 2,5$ beträgt, oder
2. der prozentuale Verlust von MYB in Relation zu CEP6 $\geq 31\%$ beträgt, oder
3. der prozentuale Anteil atypischer Zellkerne für RREB1 $\geq 63\%$ beträgt

Die Spezifität beträgt 94% bei einer Sensitivität von 92%.

Komplexe NGS-Mutationsanalyse (ThermoFisher Oncomine Focus Panel, DNA/RNA-basiert)

Hotspot-Mutationen:	AKT1, ALK, AR, BRAF, CDK4, CTNNB1, DDR2, EGFR, ERBB (HER)2/3/4 ESR1, FGFR1/2, GNA11, GNAQ, HRAS, IDH1/2, JAK1/2/3, KIT, KRAS, MAP2K1/2, MET, MTOR, NRAS, PDGFRA, PIK3CA, RAF1, RET, ROS1, SMO
Erhöhte DNA-Kopiezahl:	ALK, AR, BRAF, CCND1, CDK4/6, EGFR, ERBB2(HER2), FGFR1/2/3/4, KIT, KRAS, MET, MYC, MYCN, PDGFRA, PIK3CA
Fusionstranskripte:	ABL1, AKT3, ALK AXL, BRAF, ERG, ETV1/4/5, EGFR, ERBB2, FGFR1/2/3, MET, NTRK1/2/3, PDGFRA, PPARG, RAF1, RET, ROS1

Weiterführende Informationen oder Literatur erhalten Sie jederzeit gerne per Telefon, Mail oder Post.

BRCA1/2-Mutationsanalyse

Die Untersuchung fällt nicht unter das Gendiagnostikgesetz (GenDG), da sie die Feststellung einer genetischen Eigenschaft (Merkmalsträgerschaft aufgrund einer Keimbahnmutation) nicht beabsichtigt und nicht ermöglicht.